

Animal : **Xenos van Dorpzicht**

N° d'identification :	528 210 008 023 014	Propriétaire :	Laetitia et Guillaume BRISWALTER WENTZEL
Race :	Altdeutsche Schäferhunde	N° de prélèvement :	E00951083 (prélevé le 27/12/2024)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00096177
Date de naissance :	22/08/2023	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Rodolphe WURTZ (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958) Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	09/01/2025	Document établi le :	09/01/2025

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Syndrome de Scott	TMEM16F g.8912219G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Xenos van Dorpzicht**

N° d'identification :	528 210 008 023 014	Propriétaire :	Laetitia et Guillaume BRISWALTER WENTZEL
Race :	Altdeutsche Schäferhunde	N° de prélèvement :	E00951083 (prélevé le 27/12/2024)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00096177
Date de naissance :	22/08/2023	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Rodolphe WURTZ (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958) Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	09/01/2025	Document établi le :	09/01/2025

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
			Gris-Loup porteur noir et feu (a^w/a^t)
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a ^w /a ^w
a ^t	ASIP SINE insertion	Autosomique récessif	a ^w /a ^t
A ^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a ^w /a ^w
			Non Porteur Marron (B/B)
Locus B - Marron			
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
			Porteur Dilution (D/d)
Locus D - Dilution			
d	MLPH c.22G>A	Autosomique récessif	D/d
d ²	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	D/D
d ³	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	D/D
			Masque Sombre (E^m/E^m)
Locus E - Extension			
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E ^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E ^m /E ^m
			Faible voire absence du fauve (I/i)
Locus I - Intensité (i)	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	
			Non exprimé (k^y/k^y)
Locus K - Noir Dominant (K ^b)	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	
			Homozygote poil long
Longueur du Pelage			
L1	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	pl/pl
			Non porteur (C/C)
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	
			Non porteur de polydactylie
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	
			Chute de poils abondante
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	