

Animal : **Shine de la légende du loup noir**

 N° d'identification : **250 268 780 119 585**
 Race : **Altdeutsche Schäferhunde**
 Sexe : **Femelle**
 Date de naissance : **14/11/2021**
 Pedigree :
 Résultat établi le : **17/03/2023**

 Propriétaire : **Laëtitia BRISWALTER**
 N° de prélèvement : **E00806150** (prélevé le 06/03/2023)
 Code résultat : **A00029356**
 Préleveur : **Alexandre LAMBERT** (Vétérinaire - N° d'ordre : 37566)
 Prélèvement **authentifié**
 Document établi le : **17/03/2023**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
<p>Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.</p> <p>Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.</p> <p>Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.</p>	<p>✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.</p> <p>! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.</p>	<p>L'animal ne transmet pas la mutation testée.</p> <p>L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.</p>

Animal : **Shine de la légende du loup noir**

N° d'identification :	250 268 780 119 585	Propriétaire :	Laëtitia BRISWALTER
Race :	Altdeutsche Schäferhunde	N° de prélèvement :	E00806150 (prélevé le 06/03/2023)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00029356
Date de naissance :	14/11/2021	Préleveur :	Alexandre LAMBERT (Vétérinaire - N° d'ordre : 37566)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	17/03/2023	Document établi le :	17/03/2023

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a ^w /a
A ^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a ^w /a ^w
Locus B - Marron			
			Non Porteur Marron (B/B)
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
Locus D - Dilution			
			Porteur Dilution (D/d)
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	D/d
d ²	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	D/D
d ³	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	D/D
Locus E - Extension			
			Masque Sombre (E^m/E^m)
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E ^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E ^m /E ^m
Locus I - Intensité (i)			
			Intensité forte à modérée (porteur I/i)
Locus K - Noir Dominant (K^b)			
			Non exprimé (k^y/k^y)
Poil Bouclé ou Ondulé (c¹)			
			Non porteur (C/C)
Polydactylie			
			Non porteur de polydactylie
Shedding			
			Chute de poils abondante